

第十七届全国微生物资源学术研讨会

(第二轮通知)

尊敬的各位专家、各位同仁：

由中国科学院东北地理与农业生态研究所、中国微生物学会微生物资源专业委员会、农业微生物资源发掘与利用全国重点实验室、土壤与农业可持续发展全国重点实验室等主办，黑土地保护与利用重点实验室（中国科学院）等承办的第十七届全国微生物资源学术研讨会拟定于2026年7月20—25日在“北国春城”吉林省长春市召开。

耕地是粮食生产的命根子，黑土地是耕地中的“大熊猫”，被誉为国家粮食安全的“压舱石”和“稳压器”。本届研讨会以“微生物资源：守护蓝色星球、保卫黑土粮仓”为主题，汇聚国内微生物资源及耕地保护相关领域专家学者和青年科技工作者，围绕国家粮食安全、生态安全、能源安全和生命健康等重大需求，交流微生物资源调查保护、保藏共享、功能发掘、组学解析、智能筛选、合成设计与场景应用等最新进展，共同探讨大数据时代微生物资源利用的技术瓶颈与产业化路径。现将有关事项通知如下。

一、会议主题

微生物资源：守护蓝色星球、保卫黑土粮仓

- (一) 微生物资源多样性与宜居地球
- (二) 微生物资源库建设与新质生产力赋能
- (三) 合成微生物理论与生物智造
- (四) 微生物资源新理论、新技术、新方法

二、组织架构

(一) 主办单位

中国科学院东北地理与农业生态研究所
中国微生物学会微生物资源专业委员会
农业微生物资源发掘与利用全国重点实验室
土壤与农业可持续发展全国重点实验室

(二) 承办单位

黑土地保护与利用重点实验室（中国科学院）
中国科学院“黑土粮仓”科技会战专项办公室
“国家农业重大科技项目”东北地理与农业生态研究所管理办公室
中国土壤学会
国家菌种资源库
国家病原微生物资源库
国家病毒资源库
国家微生物科学数据中心
教育部农业微生物资源库
教育部工程微生物资源库
教育部海洋微生物资源库
吉林省农业科学院（中国农业科技东北创新中心）
CAAS-CIAT 可持续农业联合实验室

(三) 协办单位

Eco-Environment & Health

Pedosphere

Soil Ecology Letters

Soil and Crops

微生物学报

土壤学报

广东省微生物菌种保藏中心（GDMCC）

(四) 赞助单位

长春长光辰英生物科学仪器有限公司

青岛星赛生物科技有限公司

曼迪匹艾（武汉）科技服务有限公司

杭州奥盛仪器有限公司

四川厌氧生物科技有限责任公司

成都瀚辰光翼科技有限公司
陕西诺万生物科技有限公司
上海卡苏生物科技有限公司

三、会议内容安排

1. 两院院士和国内外知名专家特邀报告
2. 大会报告、分会场报告、快闪报告、墙报展示
3. 微生物专项技术培训班
4. 现代农业新质生产力与新型经营主体实地考察（耕地大熊猫）
5. 微生物资源专业委员会党的工作小组会议及全体委员会议

四、会议时间、地点及住宿安排

会议时间：2026年7月20-25日（周一至周六）

（一）培训班1—培训班3:

时间：7月20日报到（美仑酒店），7月21日培训（东北地理所）

住宿：长春北湖奥体中心美仑酒店（0431-86331333）

长春市宽城区北湖街道北湖科技开发区盛北大街3222号

会场：中国科学院东北地理与农业生态研究所综合楼/成果楼

（吉林省长春市高新北区盛北大街4888号）

注意：7月21日培训结束后，将统一安排车辆前往长春华天大酒店，
继续参加微生物资源大会

（二）微生物资源大会及培训班4&5:

时间：7月20日报到（华天大酒店），7月21日培训（华天大酒店）

住宿：长春华天大酒店（0431-81168888，0431-87809999）

吉林省长春市绿园区景阳大路2288号

会场：长春华天大酒店六楼会议室及分会场会议室

五、培训班与微生物资源会议概览

日程		地点
7月20日 全天报到注册		美仑酒店 华天大酒店
7月21日 会前培训班		
09:00-17:30	培训班 1: 土壤动物分离鉴定与系统分类技术培训班	中国科学院东北地理与农业生态研究所
	培训班 2: 单细胞原位代谢功能菌筛选与生物标志物全链条培训班(含单细胞拉曼流式分选-培养-测序的现场演示与用户实操等)	
	培训班 3: 土壤噬菌体分离筛选及组学分析与分子验证技术培训班	
09:00-17:30	培训班 4: 微生物分类理论与资源挖掘技术培训班	华天大酒店
	培训班 5: 菌株资源快筛专场: 多模态跨尺度前沿技术培训班(含多模态跨尺度微生物筛选系列产品的现场演示与用户实操)	
7月21日 微生物资源专业委员会工作会议		
19:00-21:00	中国微生物学会微生物资源专业委员会党的工作小组会议	华天大酒店
	中国微生物学会微生物资源专业委员会全体委员会议	
7月22日 微生物资源学术研讨会		
08:00-12:00	开幕式、合影、大会报告	华天大酒店
14:00-17:30	大会报告	
19:30-20:30	快闪报告	
7月23日 微生物资源学术研讨会		
08:30-12:00	分会场报告	华天大酒店
14:00-17:30	大会报告	
17:30-18:30	闭幕式	
7月24日全天 农业新质生产力梨树示范区实地考察		吉林省梨树县
7月25日全天 参会代表离会		

注:会议日程、报告专家和培训安排将根据实际情况持续更新,最终以会议手册及会务组现场通知为准。

六、大会（特邀）报告专家

以下名单排名不分先后，持续更新中，最终以会议手册为准。

赵国屏	研究员/院士	中国科学院分子植物科学卓越创新中心
邓子新	教授/院士	上海交大学生命科学技术学院
焦念志	教授/院士	厦门大学海洋与地球学院
张佳宝	研究员/院士	中国科学院南京土壤研究所
朱永官	研究员/院士	中国科学院生态环境研究中心
沈其荣	教授/院士	南京农业大学资源与环境科学学院
金梅林	教授/院士	华中农业大学动物科学技术学院
徐明岗	教授/院士	山西农业大学资源环境学院
张友明	教授/院士	山东大学微生物技术研究院
向 华	研究员	中国科学院天津工业生物技术研究所
吴金水	研究员	中国科学院亚热带农业生态研究所
徐建明	教授	浙江大学环境与资源学院
刘双江	教授	山东大学/中国科学院微生物研究所
张和平	教授	内蒙古农业大学食品科学与工程学院
胡 锋	教授	南京农业大学资源与环境科学学院
李越中	教授	山东大学生命学院
姜道宏	教授	华中农业大学植物科学技术学院
韦革宏	教授	西北农林科技大学生命科学院
徐 健	研究员	中国科学院青岛生物能源与过程研究所
刘陈立	教授	中国科学院深圳先进技术研究院
王晓雪	研究员	中国科学院南海海洋研究所
杨云锋	教授	清华大学深圳国际研究院
姚槐应	教授	武汉工程大学环境生态与生物工程学院
周顺桂	教授	福建农林大学资源与环境学院
周志刚	研究员	中国农业科学院生物技术研究所

冯晓娟	研究员	中国科学院植物研究所
白 娥	教 授	长春师范大学地理科学学院
张学贤	研究员	中国科学院东北地理与农业生态研究所
束文圣	教 授	华南师范大学生命科学学院
蔡 鹏	教 授	华中农业大学资源与环境学院
韦 中	教 授	南京农业大学草业学院
承 磊	研究员	农业农村部成都沼气科学研究所/深圳基因组所
蒋建东	教 授	南京农业大学资源与环境科学学院
唐鸿志	教 授	上海交大学生命科学技术学院
张丽梅	研究员	中国科学院生态环境研究中心
田长富	研究员	中国农业大学生物学院
杜文斌	研究员	中国科学院微生物研究所
李孝刚	教 授	南京林业大学生态与环境学院
朱 冬	研究员	中国科学院城市环境研究所
艾 超	研究员	中国农业科学院农业资源与农业区划研究所
王 超	研究员	中国科学院沈阳应用生态研究所
刘 畅	教 授	山东大学微生物技术研究院
彭东海	教 授	华中农业大学生命科学技术学院
叶 茂	研究员	中国科学院南京土壤研究所
焦 硕	教 授	西北农林科技大学生命科学学院
张晓君	教 授	上海交大学生命科学技术学院
魏海雷	研究员	中国农业科学院农业资源与农业区划研究所
马俊才	研究员	国家微生物科学数据中心/中科院微生物研究所
魏 强	研究员	国家病原微生物资源库/中国疾病预防控制中心
邓 菲	研究员	国家病毒资源库/中科院武汉病毒研究所
姚 粟	教 授	中国工业微生物菌种保藏管理中心
彭 方	教 授	中国典型培养物保藏中心/武汉大学

凌 宁	教 授	兰州大学草地微生物研究中心
张 涛	研究员	中国药学微生物菌种保藏管理中心
张旭东	研究员	中国科学院沈阳应用生态研究所
窦 森	教 授	吉林农业大学资源与环境学院
田春杰	研究员	中国科学院东北地理与农业生态研究所
吴东辉	研究员	中国科学院东北地理与农业生态研究所
李文均	教 授	中山大学生命科学学院
李福利	研究员	中国科学院青岛生物能源与过程研究所
张瑞福	教 授	南京农业大学资源与环境科学学院
李 荣	教 授	南京农业大学资源与环境科学学院
何红波	研究员	中国科学院沈阳应用生态研究所
王伟东	教 授	东北林业大学生命科学学院
刘满强	教 授	兰州大学草地农业科技学院
贾仲君	研究员	中国科学院东北地理与农业生态研究所
李 备	研究员	中国科学院长春光学精密机械与物理研究所
阮志勇	研究员	中国农业科学院农业资源与农业区划研究所
张国庆	研究员	中国科学院上海营养与健康研究所
王光华	研究员	中国科学院东北地理与农业生态研究所
褚海燕	研究员	中国科学院南京土壤研究所
葛体达	教 授	宁波大学植物病毒学研究所
周小奇	教 授	华东师范大学生态与环境科学学院
王保战	教 授	南京农业大学资源与环境科学学院
刘俊杰	研究员	中国科学院东北地理与农业生态研究所
解志红	研究员	山东农业大学资源与环境学院
杨国平	教 授	北方民族大学生物科学与工程学院
邓 晔	研究员	中国科学院生态环境研究中心
孙超岷	研究员	中国科学院海洋研究所

李 勇	教 授	浙江大学环境与资源学院
晏 磊	教 授	黑龙江八一农垦大学生命科学技术学院
孙 新	研究员	中国科学院城市环境研究所
屠奇超	教 授	山东大学海洋研究院
包智华	教 授	内蒙古大学生态与环境学院
王 爽	研究员	黑龙江省农科学院土壤肥料与环境资源研究所
张志升	教 授	西南大学生命科学学院
徐正会	教 授	西南林业大学林学院
俞道远	教 授	南京农业大学资源与环境科学学院
陈小云	教 授	南京农业大学资源与环境科学学院
付 钰	研究员	中南民族大学生命科学院
朱宝利	研究员	中国科学院亚热带农业生态研究所
潘 红	教 授	山东农业大学资源与环境学院
彭静静	副教授	中国农业大学资源与环境学院
崔俊涛	副教授	吉林农业大学资源与环境学院
张士秀	研究员	中国科学院东北地理与农业生态研究所
荆晓艳	教 授	青岛科技大学生物工程学院
郑金水	教 授	教育部农业微生物种质资源库/华中农业大学
张大奕	教 授	吉林大学新能源与环境学院
蔡 曼	高级工程师	中国普通微生物菌种保藏管理中心
郑晓姗	高级工程师	中国科学院青岛生物能源与过程研究所
秦 堃	高级工程师	中国典型培养物保藏中心/武汉大学
顾金刚	副研究员	中国农业微生物菌种保藏管理中心
王喜先	副研究员	中国科学院青岛生物能源与过程研究所
孙 静	副教授	成都工业学院材料与环境工程学院

七、培训班安排

培训班 1: 土壤动物分离鉴定与系统分类技术培训班

简介: 土壤动物是土壤生物多样性的重要组成部分,是连接植物根系与微生物的关键环节。这些生物相互依赖、相互作用形成的多营养级土壤食物网驱动了多种多样的生态系统功能。当前,土壤生物多样性和生态功能的关系受到广泛关注,相比土壤微生物资源研究的快速发展,土壤动物资源的研究进程由于其分离、形态鉴定与系统分类技术等较难掌握,仍发展缓慢,成为制约土壤食物网研究、并阻碍我们认识土壤地力过程的障碍。土壤动物和微生物的紧密联系及其重要作用,受到越来越多的重视。为进一步拓展第十七届全国微生物资源学术研讨会的学术内涵,促进土壤微生物与土壤动物交叉融合研究,本次会议开设“土壤动物分离鉴定与系统分类技术培训班”。培训班面向微生物生态学、农业资源与环境、生物多样性保护及相关领域的青年教师、科研人员、研究生和技术人员,围绕“土壤动物分离-分类鉴定-生态功能解析-食物网研究应用”这一主线,一方面介绍土壤动物多样性、土壤食物网结构及其生态系统多功能性,另一方面重点开展典型土壤动物类群的分类鉴定培训。

培训班的课程内容包括三个部分:一是学术报告,围绕土壤食物网、土壤生物多样性以及土壤动物调控作用进行专题交流;二是分类鉴定课程,涵盖蜘蛛、蚂蚁、螨类、弹尾虫、线虫、蚯蚓及动物肠道微生物等内容,由相关领域专家结合自身研究经验进行系统讲授;三是实操课程,重点训练土壤动物样品分离、形态观察、分类鉴定、标本处理及相关实验技术。本培训班强调理论知识与实践技能相结合,既涉及土壤动物分类学的基础和生态学意义,更突出从野外采样、样品分离到显微鉴定和数据应用的完整技术流程。培训内容将以形态鉴定技术为核心,同时适当结合分子生物学方法和土壤微食物网研究前沿,帮助学员提高在土壤生物多样性调查、土壤食物网结构分析和土壤动物-微生物互作研究等方面的综合能力。

召集人: 胡 锋 教 授 南京农业大学资源与环境科学学院

吴东辉 研究员 中国科学院东北地理与农业生态研究所

刘满强 教 授 兰州大学草地农业科技学院

张士秀 研究员 中国科学院东北地理与农业生态研究所

报告专家	职称	单位
吴东辉	研究员	中国科学院东北地理与农业生态研究所
孙 新	研究员	中国科学院城市环境研究所
朱 冬	研究员	中国科学院城市环境研究所
张志升	教 授	西南大学生命科学学院

徐正会	教授	西南林业大学林学院
俞道远	教授	南京农业大学资源与环境科学学院
陈小云	教授	南京农业大学资源与环境科学学院
孙 静	副教授	成都工业学院材料与环境工程学院
刘程林	博士	中国科学院东北地理与农业生态研究所
龚 鑫	博士	中国科学院城市环境研究所
持续更新中...		

培训班 2: 单细胞原位代谢功能菌筛选与生物标志物全链条培训班 (含单细胞拉曼流式分选-培养-测序的现场演示与用户实操等)

简介: 黑土地被誉为“耕地中的大熊猫”，是保障国家粮食安全的压舱石。然而，高强度利用导致的“变薄、变瘦、变硬”问题正严重威胁其可持续生产力。微生物是黑土地形成与肥力维持的核心驱动力，但每克黑土约百亿微生物中，传统方法可培养的不足 1%，大量“生物暗物质”的功能解析成为突破黑土退化阻控与盐碱地改良技术瓶颈的关键。单细胞技术与稳定性同位素组学的融合，为精准解析微生物个体功能、实现“功能-菌群”的原位关联提供了革命性工具，已成为耕地保护前沿技术的重要支撑。为深入贯彻耕地资源保护利用国家战略，系统提升青年科研人员在前沿技术领域的实战能力，本次培训围绕“单细胞拉曼探测-同位素示踪-农业微生态应用”这一主线，聚焦黑土地保护与盐碱地改良的关键科学问题，推动前沿技术的深度融合与转化应用。

培训班的课程内容与目标如下：一是深化理论认知，深入讲解单细胞拉曼光谱、稳定同位素探针（SIP）等技术的原理及其在土壤微生态功能解析中的应用策略，强化原始创新思维。二是强化实验操作与数据分析，系统开展从单细胞分选、拉曼光谱采集到稳定同位素标记实验的设计与操作实训，并结合数据分析实战，帮助学员掌握从“功能识别”到“菌群定位”的完整技术链条。三是搭建跨单位技术交流平台，探索新型农业微生态监测装备的应用范式，提升学员在黑土退化阻控、盐碱地改良等场景下的综合技术整合能力，为我国“藏粮于地”战略的实施提供关键科技支撑与人才保障。

召集人: 徐 健 研究员 中国科学院青岛生物能源与过程研究所
贾仲君 研究员 中国科学院东北地理与农业生态研究所

报告专家	职称	单位
付 钰	研究员	中南民族大学生命科学院
荆晓艳	教授	青岛科技大学生物工程学院
郑晓姗	高级工程师	中国科学院青岛生物能源与过程研究所
王喜先	副研究员	中国科学院青岛生物能源与过程研究所
蔡元锋	副研究员	中国科学院南京土壤研究所

朱鹏飞	助 研	中国科学院青岛生物能源与过程研究所
刁志钿	助 研	中国科学院青岛生物能源与过程研究所
持续更新中...		

培训班 3: 土壤噬菌体分离筛选及组学分析与分子验证技术培训班

简介: 病毒（噬菌体）是地球上最丰富的生物实体，在调控微生物群落、驱动宿主代谢和介导基因水平转移中发挥着关键作用。土壤宏病毒组学是解析“病毒暗物质”的前沿手段，但因流程复杂，从噬菌体分离富集到多维度数据解析，给研究者带来了巨大挑战。为促进土壤噬菌体研究从单一群落组成向多营养级互作与功能深入发展，本培训班以“土壤噬菌体分离筛选及组学分析与分子验证技术”为主题，围绕“分离筛选—组学分析—分子验证”主线，系统培养学员从实验操作到生信挖掘再到功能验证的全链条能力。

培训班的课程内容包括以下部分：一是理论与前沿报告，围绕土壤病毒多样性、病毒-宿主互作及病毒对土壤地力的调控作用进行专题交流。二是核心技术流程实操，涵盖病毒提取与富集纯化（切向流过滤、PEG 沉淀、超速离心等），以及从噬菌体 DNA 提取、测序文库构建到原始数据质控、去宿主序列的完整湿实验与数据预处理流程。三是生物信息学分析实战，重点训练病毒序列识别与组装（Megahit、CD-HIT、VirSorter2、DeepVirFinder），物种注释与系统发育分析（vContact2、VOGDB、iqtree 构建系统发育树），以及深入的功能挖掘，包括噬菌体生活方式判断（Deephage、CheckV、Prophage hunter）、宿主预测（CRISPR/tRNA/基因组同源性匹配）和功能注释（Prodigal、eggNOG/GO/CAZy/KEGG）。最后，将利用 DramV 和 Vibrant 等工具识别辅助代谢基因（AMGs），并开展上下游分析。本培训班强调从宏观思路到微观操作相结合，旨在帮助学员构建完整的宏病毒组分析能力，助力在土壤生物多样性与多营养级互作研究中取得新突破。

召集人: 叶 茂 研究员 中国科学院南京土壤研究所

王光华 研究员 中国科学院东北地理与农业生态研究所

报告专家	职称	单位
叶 茂	研究员	中国科学院南京土壤研究所
王光华	研究员	中国科学院东北地理与农业生态研究所
朱 冬	研究员	中国科学院城市环境研究所
金 桃	博 士	壹健生物科技(苏州)有限公司
刘 鹏	博 士	中国科学院南京土壤研究所
付玉豪	博 士	中国科学院南京土壤研究所
持续更新中...		

培训班 4: 微生物分类理论与资源挖掘技术培训班

简介：微生物分类学是认知生命演化规律、挖掘生物资源潜能的根基性学科。随着多相分类、基因组系统发育及宏组学技术的快速发展，传统形态与生理生化鉴定正加速走向系统演化与功能基因驱动的精准确分类新范式。优质的菌种资源库与科学的分类体系，是微生物从“可获取”到“可利用”的关键转化枢纽。然而，国内在微生物系统分类理论创新、高附加值功能菌株定向挖掘以及菌种资源标准化保藏等环节，仍面临人才储备不足与技术链条脱节的挑战。为夯实微生物资源研究的人才根基，贯通从“精准分类”到“高效挖掘”的技术链条，本次培训聚焦“系统分类-资源保藏-功能挖掘”这一核心主线，整合国内顶尖菌种保藏中心与研究机构的平台优势，推动分类理论与资源应用的双向赋能。

课程内容如下：一是系统分类理论重构与前沿进展，邀请多位国家级菌种保藏中心与种质资源库的权威专家，深入讲授现代微生物分类体系的最新规则、基因组系统发育分析方法及模式菌株规范化管理流程，筑牢从经典到前沿的分类学认知框架。二是多相分类与功能挖掘实战，结合典型环境与特殊生境（如海洋、药用植物等）的案例，讲解如何基于多相分类数据锁定具有产酶、抑菌、促生等功能潜力的新类群，打通从分类鉴定到资源评价的关键环节。三是顶级保藏平台与标准规范对接，重点介绍中国普通微生物菌种保藏管理中心、中国典型培养物保藏中心、中国药学微生物菌种保藏管理中心及教育部农业微生物种质资源库的运行机制与资源入库标准，为学员所在单位的菌株规范化保藏与资源共享提供直接指导。

召集人：贾仲君 研究员 中国科学院东北地理与农业生态研究所

李文均 教授 中山大学

彭方 教授 武汉大学

报告专家	职称	单位
张涛	研究员	中国药学微生物菌种保藏管理中心
郑金水	教授	教育部农业微生物种质资源库/华中农业大学
秦堃	高级工程师	中国典型培养物保藏中心/武汉大学
蔡曼	高级工程师	中国普通微生物菌种保藏管理中心
张道锋	博士	河海大学海洋学院
持续更新中...		

培训班 5: 菌株资源快筛专场: 多模态跨尺度前沿技术培训班 (含多模态跨尺度微生物筛选系列产品的现场演示与用户实操)

简介: 微生物菌株资源是生物制造、生物农业与生物医药的战略性基础要素。然而, 传统筛选方法依赖表型观察与逐株验证, 通量有限、信息维度单一, 难以满足复杂环境中功能菌株的快速定向发掘需求。稳定同位素探针结合拉曼光谱 (SIP-Raman)、激光诱导前向转移 (LIFT) 分选、光镊操控与微流控芯片等前沿技术的快速发展, 为单细胞水平的表型-代谢-功能多维信息获取与精准分选提供了全新的技术路径, 正在推动微生物资源筛选从"宏观培养"走向"单细胞精准锁定"的范式转变。

本培训班聚焦微生物菌株资源快筛中的核心技术瓶颈, 系统讲授以下内容: 一、多模态表型识别原理与前沿应用: 讲授拉曼光谱、荧光成像、形态智能分析等单细胞多维信息获取技术的原理及其在土壤、环境、肠道等领域微生物功能、代谢等研究场景中的最新应用进展, 重点解析 SIP-Raman 技术在功能微生物原位识别与筛选中的方法学优势与适用性。二、跨尺度菌株筛分技术原理与系统构成: 深入阐释 LIFT 单细胞分选、光镊操纵与分选、菌落智能挑取等关键技术的原理与实现路径, 拆解光学系统核心模块、分选控制单元及 AI 辅助识别算法的设计逻辑, 使学员建立从技术原理到仪器系统的完整认知框架。三、仪器实操与实验问题解析: 结合单细胞可视化分选仪、高通量菌落筛选系统等产品现场展示, 开展从样品制备、多模态识别到目标菌株自动化高效分选的全流程上机实操, 并针对实验中常见的分选精度、样品适配性、下游实验流程等问题进行针对性讲解与讨论。本培训班旨在帮助学员系统了解单细胞水平多模态快筛技术的前沿进展与方法原理, 通过理论讲授与仪器实操相结合的方式, 提升对相关技术的理解深度与应用能力, 为微生物资源的高效发掘提供技术参考。

召集人: 李 备 研究员 中国科学院长春光学精密机械与物理研究所
阮志勇 研究员 中国农业科学院农业资源与农业区划研究所

报告专家	职称	单位
张大奕	教授	吉林大学新能源与环境学院
刘畅	教授	山东大学微生物技术研究院
李航	高级工程师	长春长光辰英生物科学仪器有限公司
李天宇	高级工程师	长春长光辰英生物科学仪器有限公司
梁鹏	博士	中国科学院长春光学精密机械与物理研究所
持续更新中...		

支持单位: 长春长光辰英生物科学仪器有限公司

八、分会场专题安排

序号	分会场专题	专题名称	召集人
1	致敬专题	陈文新先生诞辰 100 周年学术研讨会	韦革宏、田长富
2	常规专题	微生物种质资源挖掘与种质资源库建设	张晓霞、姚 粟
3	常规专题	微生物组新理论、新技术、新方法	徐 健、杜文斌
4	常规专题	微生物代谢多样性的生态进化机制	向 华、张学贤
5	常规专题	真菌多样性及功能挖掘	顾金刚、张 涛
6	特色专题	水圈微生物与科研范式变革	张国庆、承 磊
7	特色专题	土壤微生物与农业场景赋能	贾仲君、王光华
8	特色专题	盐碱地微生物改良理论与应用	刘俊杰、解志红
9	特色专题	合成微生物组与场景化应用	唐鸿志、韦 中
10	特色专题	微生物碳利用效率与生态健康	冯晓娟、白 娥
11	特色专题	病毒群落与生态健康	王晓雪、叶 茂

九、大会报告、分会场报告及快闪报告

大会、分会场报告由专家申请并经学术委员会遴选。申请报告者请提供个人简历、近五年 5 篇代表性论文目录以及 500 字左右的报告内容摘要，统一由大会学术委员会遴选确定。大会报告时间为 20-30 分钟，分会场报告时间为 10-20 分钟，申请者请于 2026 年 7 月 15 日前将相关材料提交至大会邮箱 cmr2026@iga.ac.cn。

（一）大会报告：主要包括邀请专家和报名专家。报名专家请提供个人简历、近五年 5 篇代表性论文目录以及 500 字左右的报告内容摘要，统一由大会学术委员会遴选确定。

(二) 分会场报告：将根据报名情况，组织合适的特色专题，为国内同行尽量提供更多的报告交流机会。也欢迎提供个人简历、报告题目和内容摘要。

(三) 快闪报告：旨在搭建高效、灵活的交流平台，展示最新研究进展、亮点成果及创新思路。每位报告人发言 3 分钟，形式可为口头讲述、Word 或 PPT 等（尽量提供题目）。

大会报告、分会场报告及快闪报告主题也可参考相关领域方向：

(1) 微生物代谢多样性的生态进化机制

(2) 植物微生物与抗逆促生

(3) 土壤微生物组与连作障碍

(4) 微食物网与生态健康

(5) 新兴污染物微生物生态

(6) 全球变化微生物与模型模拟

(7) 人工智能 AI+微生物资源挖掘

(8) 微生物组与人体健康

(9) 工业微生物智造与场景应用

(10) 其他相关领域或方向

十、会议征文与墙报格式要求

(一) 会议征文

本次大会将编辑《第十七届全国微生物资源学术研讨会论文摘要集》，欢迎微生物资源领域科技工作者投递会议论文与摘要（中文或英文均可），论文文责自负。论文征集要求如下：

1. 未公开发表的论文摘要（限 1000 字）。
2. 论文全文不超过 5000 字，并提交第一作者和通信作者简介。

3. 格式要求。题目：三号宋体；作者和作者地址（包括 E-mail 地址）：五号楷体；正文：小四号宋体。

4. 截止期为 7 月 10 日。

5. 投稿方式：通过大会邮箱 cmr2026@iga.ac.cn 以附件形式投递，邮件主题请注明“第十七届全国微生物资源学术研讨会投稿-作者姓名”。

（二）会议墙报

本次大会设置墙报展示区，有意参加展示的代表请自行制作墙报（规格宽 90 cm，高 120 cm）。组委会将组织全体参会代表投票遴选十篇优秀墙报并颁发证书。墙报请妥善管理，会后自行带走。

（三）《微生物学报》“微生物资源与星球健康”专刊邀稿

1. 征稿范围：微生物资源多样性挖掘与系统分类、资源保藏共享与资源库建设、功能评价与智能挖掘新技术、土壤健康与黑土保护、合成微生物学与合成菌群、绿色生物制造与产业转化、微生物资源与生命健康及生物安全等。类型包括研究论文、综述、技术与方法、专论、数据论文等。

2. 专刊特邀主编：阮志勇研究员、贾仲君研究员。

3. 投稿方式：请登录 <http://journals.im.ac.cn/actamicrocn/ch/index.aspx> 进行投稿。投稿时请在备注里注明“微生物资源”专刊。

4. 截止日期：2026 年 12 月 18 日（2027 年 6 月出版）

5. 专刊的有关说明：

（1）“微生物资源”专刊为《微生物学报》正式发表论文。

（2）所有稿件严格遵循三审制度，通过本刊终审后方可发表。

（3）稿件一经录用，将在发表前根据实际版面数收取一定的发表费。

期刊出版后每篇文章赠送作者 2 本样刊，并支付稿酬。

6. 联系方式:

电话: 010-64807516

E-mail: actamicro@im.ac.cn

联系人: 张晓丽, 吕迪

十一、会议注册

(一) 会议收费标准

注册类型	2026年 7月10日(含)前	2026年 7月10日后
正式代表	1800元/人	2000元/人
学生代表(不含博后)	1200元/人	1300元/人
随同人员	900元/人	1000元/人

(二) 会议注册与缴费

1. **会议注册:** 请各位参会代表尽快扫描下方二维码【参会回执、住宿预定】二维码完成在线注册, 以便会务组妥善安排各项事宜。

2. **会议缴费:** 注册完成后, 请各位参会代表扫描【会议缴费、发票申请】二维码完成缴费。会议注册费将由中国科学院东北地理与农业生态研究所统一收取并于会后开具电子发票。



参会回执、住宿预定



会议缴费、发票申请

3. 注意事项:

(1) 本次会议住宿及交通费用自理, 会务组统一安排酒店预定。

酒店名称	房型	协议价格
长春北湖奥体中心美仑酒店	豪华大床房 (含早餐)	290 元/间/晚
	豪华双床房 (含早餐)	
长春华天大酒店	豪华大床房 (含早餐)	350 元/间/晚
	豪华双床房 (含早餐)	

(2) 中国科学院东北地理与农业生态研究所(含农业技术中心, 哈尔滨园区) 的各位参会代表无需线上缴费, 请在缴费的备注栏填写核算账号, 会后统一分摊。

(3) 正式代表包括科研人员、高校教师、博士后、企业代表等人员。

十二、会议赞助

会议将为微生物资源相关企业提供洽谈商务的良机, 诚挚邀请相关企业协办本次大会。我们将为赞助单位提供展示平台, 并提供如下宣传展示:

1. 安排分会场报告
2. 在会议背景板展示企业 LOGO 及名称
3. 将企业广告页编入会议手册 (限 1 页)
4. 提供现场宣传展台
5. 提供会议注册包

十三、联系方式 (大会会务组)

(一) 中国微生物学会微生物资源专业委员会

联系人: 阮志勇 (010-82108701)、张晓霞 (010-82105087)

E-mail: cmr.csm@caas.cn

(二) 中国科学院东北地理与农业生态研究所

联系人: 马晶晶 (13174443280)、韩冰 (18513661213)

E-mail: majingjing@iga.ac.cn、hanbing@iga.ac.cn

(三) 会议协办与赞助咨询

联系人: 马晶晶 (13174443280)、涂文龙 (18133036715)

E-mail: majingjing@iga.ac.cn、tuwenlong@iga.ac.cn

(四) 会务保障

统筹联系人: 韩冰 (18513661213) hanbing@iga.ac.cn

住宿联系人: 李猛 (13944118440) 961535935@qq.com

报到联系人: 栾畅 (18946734675) luanchang@iga.ac.cn

注册联系人: 涂文龙 (18133036715) tuwenlong@iga.ac.cn

考察联系人: 刘红文 (15041247520) liuhongwen@iga.ac.cn

附件 1 参会回执

附件 2 摘要格式



2026年6月17日

附件 1:

第十七届全国微生物资源学术研讨会参会回执

姓 名		性 别	
工作单位			
职务/职称		民 族	
电 话		E-mail	
是否参加培训班			
美仑酒店住宿 (请在相应处画√)	290 元/天 (大床房 <input type="checkbox"/>) 290 元/天 (标 间 合住 <input type="checkbox"/> ; 单住 <input type="checkbox"/>)		
华天大酒店住宿 (请在相应处画√)	350 元/天 (大床房 <input type="checkbox"/>) 350 元/天 (标 间 合住 <input type="checkbox"/> ; 单住 <input type="checkbox"/>)		
是否申请报告 (请在相应处画√)		是 () 否 ()	报告题目
是否提交墙报 (请在相应处画√)		是 () 否 ()	
是否参加快闪报告 (请在相应处画√)		是 () 否 ()	报告题目
是否参加野外考察		是 () 否 ()	

此回执请于 **2026 年 7 月 10 日** 前提交。您可选择扫描本通知中的“**参会回执**”**二维码**通过小程序在线填写，或将附件 1 回执发送至大会邮箱 **cmr2026@iga.ac.cn**。邮件主题请注明：“**姓名-全国微生物资源学术研讨会参会回执**”。为方便会务组为各位在长春期间的学术交流和生活提供好服务，感谢您的合作与支持！

附件 2:

报告标题

(居中, 三号宋体, 加粗, 上下各空 1 行; 不超过 25 字)

第一作者¹, 第二作者², 第三作者¹, 通信作者^{1*}

(居中, 五号楷体; 不同单位用上标标注)

¹ 第一单位全称, 省市 邮编

² 第二单位全称, 省市 邮编

*E-mail: 通信作者邮箱地址

(居中, 五号楷体, 上下各空 0.5 行)

摘要: 摘要正文内容。摘要需明确阐述研究背景与目的、核心方法、关键结果及主要结论, 语言简洁凝练, 避免冗余表述。中文摘要总字数严格控制在 1000 字以内, 英文单词统一使用五号 Times New Roman 字体。

关键词: 关键词一; 关键词二; 关键词三; 关键词四; 关键词五
(小四号宋体, 加粗; 关键词不超过 5 个, 用分号分隔, 末尾无标点)

Title of the Abstract

(居中, 三号 Times New Roman, 加粗, 上下各空 1 行)

First Author¹, Second Author², Third Author¹, Corresponding Author^{1*}

(居中, 五号 Times New Roman)

¹ Department of ×××, ××× University, City, Postal Code, China

² Institute of ×××, Chinese Academy of Sciences, City, Postal Code, China

*E-mail: corresponding.author@xxx.com

(居中, 五号 Times New Roman, 上下各空 0.5 行)

Abstract: Abstract text in English. Clearly state the research background, objectives, core methods, key results and main conclusions. The total number of words is strictly limited to 800 words.

Keywords: Keyword 1; Keyword 2; Keyword 3; Keyword 4; Keyword 5

(小四号 Times New Roman, 加粗; 不超过 5 个关键词, 分号分隔)

注: 论文摘要请发送至大会邮箱 cmr2026@iga.ac.cn 以附件形式投递, 邮件主题请注明“第十七届全国微生物资源学术研讨会投稿-作者姓名”。